

ОТЗЫВ

на автореферат диссертационной работы Борисовой Анастасии Борисовны
«Молекулярно-генетическая диагностика и клинические особенности
заболеваний, вызываемых представителями рода *Bordetella*»
представленной на соискание ученой степени кандидата медицинских наук
по специальностям:

03.02.03 – микробиология, 14.01.09 – инфекционные болезни

Актуальность исследования

Актуальность выбранной темы диссертационного исследования подтверждается высоким уровнем распространения в мире. В РФ в 2018–2019 гг. отмечался рост заболеваемости коклюшем в 2,6 раза по сравнению с 2017 годом; показатели заболеваемости составили 7,1 и 9,8 на 100 тыс. населения соответственно. Отмечается большое число «нераспознанных» типичных легких и атипичных стертых труднодиагностируемых форм. В последние годы участилась регистрация случаев заболеваний коклюшем среди взрослого населения, в том числе и организованных коллективах, а также случаи бактерионосительства среди практически здоровых, что еще раз подтверждает факт широкой циркуляции *Bordetella pertussis*.

Целью диссертационного исследования А.Б.Борисовой была разработка методики генодиагностики коклюша и заболеваний, обусловленных другими бордепеллами, в том числе с выделением *B. holmesii*, и характеристика особенностей клинического течения заболевания, вызванного *B. holmesii*, по сравнению с коклюшем, вызванным *B. pertussis*. В задачи исследования входило: анализ эффективности применения ПЦР-диагностики с помощью зарегистрированной ПЦР-РВ-тест-системы; разработка методики генодиагностики на основе мультиплексной ПЦР в реальном времени для выявления и дифференциации ДНК трех бордепелл - *B. pertussis*, *B. parapertussis* и *B. holmesii* в биологическом материале; проведение апробации разработанной методики генодиагностики и оценка ее диагностической эффективности при обследовании больных с подозрением

на коклюш; скрининговые исследования больных, клинические особенности течения коклюша и дифференциальную диагностику заболеваний с разными по этиологии видами возбудителей.

Научная новизна

Диссертантом впервые разработана методика генодиагностики на основе мультиплексной ПЦР-РВ, основанная на идентификации фрагментов трех инсерционных элементов - IS481, hIS1001, IS1001 и фрагмента гена *ptxA*, кодирующего S1 субъединицу коклюшного токсина, которая позволяет выявлять и дифференцировать ДНК трех бордепелл - *B.pertussis*, *B.parapertussis* и *B.holmesii* в биологическом материале. Впервые на территории РФ зарегистрирована циркуляция *B.holmesii*. Впервые подробно описана клиническая картина заболевания, вызванного *B.holmesii*, которое носит коклюшеподобный характер и основной формой является типичная легкая форма. Установлены дифференциально-диагностические критерии заболевания, вызванного *B.holmesii*, в сравнении с коклюшем, вызванным *B.pertussis*.

Теоретическая и практическая значимость исследования

Несомненна теоретическая и практическая значимость диссертационного исследования. Мониторинг с помощью разработанной методики генодиагностики свидетельствовал о том, что *B.holmesii* является возбудителем коклюшеподобного заболевания. Это свидетельствует об убиквитарном распространении этого микроорганизма, и в дальнейшем позволит оценить его эпидемиологическую значимость в развитии коклюшной инфекции на территории РФ. Генодиагностика при обследовании больных с подозрением на коклюш расширит возможности идентификации разных представителей рода *Bordetella*. Установлено, что разработанная методика генодиагностики на основе мультиплексной ПЦР-РВ может использоваться при проведении эпидемиологического надзора за коклюшной инфекцией на территории РФ при мониторинге возбудителей в рамках. Показано, что, заболевание, вызванное *B.holmesii*, в большинстве случаев

сложно диагностируется, оперируя только клинической картиной. Для окончательного диагноза необходимо проведение лабораторного исследования с выявлением ДНК возбудителя.

Достоверность полученных результатов

Достоверность результатов диссертационного исследования и обоснованность выводов подтверждена объемом выборки, использованием современных методов исследований, корректным анализом и интерпретацией полученных результатов, статистической обработкой данных и соблюдением принципов доказательной медицины.

Публикации

По теме диссертации опубликовано 7 печатных работ, из них 5 статей в рецензируемых изданиях, 2 – в материалах конференций, 1 патент на изобретение РФ. Подана заявка на изобретение.

Объем и структура диссертации

Материалы диссертационной работы изложены на 166 страницах машинописного текста и иллюстрированы 33 таблицами, 32 рисунками. Диссертация состоит из введения, обзора литературы, 3 глав собственных исследований, заключения, выводов, практических рекомендаций, перспективы дальнейшей разработки темы, списка сокращений и списка литературы, включающего 219 источников, из которых 43 – отечественных, 176 – зарубежных авторов.

Заключение

Диссертационная работа Борисовой Анастасии Борисовны «Молекулярно-генетическая диагностика и клинические особенности заболеваний, вызываемых представителями рода *Bordetella*», представленная на соискание ученой степени кандидата медицинских наук по специальностям: 03.02.03 – микробиология, 14.01.09 – инфекционные болезни, является законченным самостоятельным исследованием, результаты которого имеют теоретическое и практическое значение. По своей актуальности, научной новизне и практической значимости результатов,

объему проведенных исследований работа отвечает требованиям п. 9 Положения «О порядке присуждения ученых степеней», утвержденного постановлением Правительства Российской Федерации № 842 от 24 сентября 2013 года, (с изменениями постановления Правительства Российской Федерации от 21 апреля 2016 г. № 335, от 02 августа 2016 г. № 748, от 29 мая 2017 г. № 650, от 28 августа 2017 г. № 1024, от 01.10.2018 г. № 1168 «О внесении изменений в Положение о присуждении ученых степеней»), предъявляемым к диссертациям на соискание ученой степени кандидата медицинских наук, а ее автор, Борисова Анастасия Борисовна, заслуживает присуждения ученой степени кандидата медицинских наук по специальностям: 03.02.03 – микробиология, 14.01.09 – инфекционные болезни.

Даю согласие на обработку персональных данных.

Заслуженный работник высшей школы
Российской Федерации
профессор кафедры микробиологии,
доктор медицинских наук, доцент

Малышев
Владимир Васильевич

Специальность - 14.00.30 – эпидемиология

ФГБОУ ВО Военно-медицинская
академия имени С.М.Кирова
Министерства обороны
Российской Федерации
Почтовый адрес: ул. Академика Лебедева,
д. 6, г. Санкт-Петербург, 194044
e-mail: vladmal_spb@list.ru
тел. +7 (812) 299 34 65
« 11 » мая 2021 г.

Подпись профессора кафедры микробиологии
Военно-медицинской академии имени С.М.Кирова
доктора медицинских наук, доцента
Малышева Владимира Васильевича

«Заверяю»

« 11 » мая 2021 г.

Заместитель начальника отдела кадров
Военно-медицинской академии
майор

П. Миличенко

